

# 解析付きNGS受託サービス

遺伝子発現解析 (CAGE NET-CAGE) エピゲノム解析 (ATAC-seq ChIP-seq)

## CAGE (5'RNA-seq)

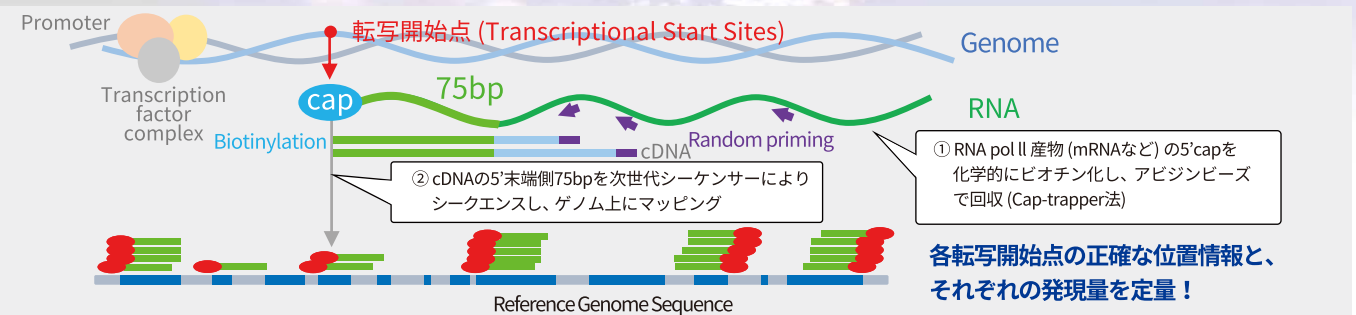
Webサイト

<https://www.cage-seq.com/jp/>



### RNA-seqよりも高い定量性！転写開始点を捉える遺伝子発現解析！

RNA pol II 産物のCap構造を捕捉するCap-trapper法によりRNAの5'末端の塩基配列を決定、ゲノム上にマッピングするNGS解析です。転写開始点の位置を1塩基単位でゲノムワイドに同定することで、各転写産物のプロモーター領域や、発現量を的確にとらえた発現プロファイルを可能にします。



仕様	リード数	納期	価格	納品物
75 bp シングルリード (Illumina)	1,500万リード/ サンプル	約1-2か月	1-23 サンプル：90,000円/サンプル (税込 99,000円)	解析データ ・遺伝子発現量一覧 ・遺伝子発現量比較 ・転写因子結合モチーフ検索等 報告書・手引き Fastqファイル
			24 サンプル以上：80,000円/サンプル (税込 88,000円)	

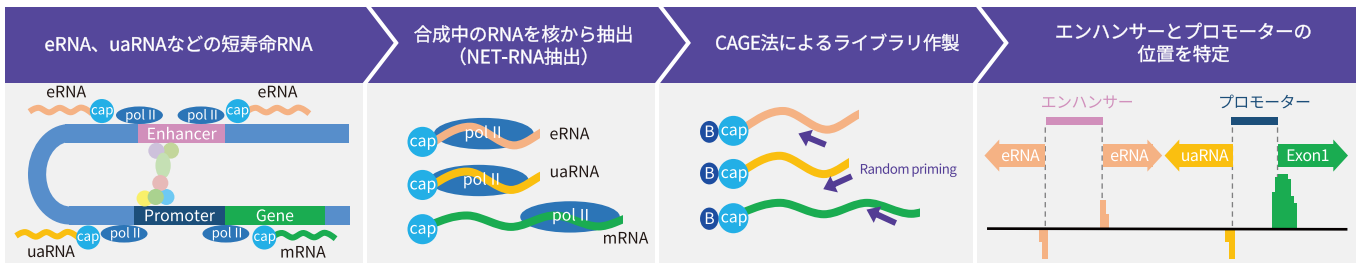
● お送りいただく検体：Total RNA

RNA量：3μg以上、濃度：0.1-1.0ng/μl、RIN：7.0、A260/A280：1.8以上、A260/A230：1.8以上

## NET-CAGE

### 活性化エンハンサーのゲノムワイドな同定が可能な遺伝子発現解析！

エンハンサー領域から双方向に転写されているエンハンサーRNA (eRNA) の転写開始点を捉え、活性化エンハンサーをゲノムワイドに同定可能なNGS解析です。さらに、合成中のRNA pol II産物のリアルタイムな転写活性に基づく遺伝子発現解析も可能です。



仕様	リード数	納期	価格	納品物
75 bp シングルリード (Illumina)	1,500万リード/ サンプル	約1-2か月	1-23 サンプル：110,000円/サンプル (税込 121,000円)	解析データ ・エンハンサー一覧 ・プロモーター一覧 ・遺伝子発現量比較等 報告書・手引き Fastqファイル
			24 サンプル以上：100,000円/サンプル (税込 110,000円)	

● お送りいただく検体：ヒト・マウスなどの細胞あるいは組織

細胞数の目安 (培養細胞)：2×10<sup>7</sup>個程度 (可能であれば2×10<sup>7</sup>個の細胞を2本分お送りください)。生物種や組織によっては解析できない場合もあります。事前にご相談ください。

# ATAC-seq

オープンクロマチン領域を網羅的に解析<sup>1</sup>！

仕様	リード数	納期	価格	納品物
DNBSEQ (150bp ペアエンド)	4,000万ペアリード/ サンプル	約5-7週間	90,000円/サンプル (税込99,000円)	解析データ ・ピークコール結果 ・モチーフ検索結果 ・各種プロット ・品質チェックデータ 報告書・手引き Fastqファイル
Illumina (150bp ペアエンド)			95,000円/サンプル (税込104,500円)	

● お送りいただく検体：凍結生細胞<sup>2</sup>

細胞数：10万個×2、セルバンカー・パンバンカーなどの保存液に懸濁して凍結。対象の細胞に適合する保存液が無い場合は、細胞ペレットでお送りください。

1. 多数サンプルがある場合、条件検討のために、まずは少数サンプルでご依頼いただくことをお勧めいたします。2. 組織でも成功例がございます。詳しくはお問い合わせください。  
※150bp ペアエンド、1億リードの仕様（約140,000円/サンプル）にも対応いたします。詳しくはお問い合わせください。

# ChIP-seq

ヒストン修飾や転写因子結合部位の網羅的解析に<sup>1,2</sup>！

仕様	リード数	納期	価格	納品物
DNBSEQ (150bp ペアエンド)	4,000万ペアリード/ サンプル	約5-8週間	90,000円/サンプル (税込 99,000円)	解析データ ・ピークコール結果 ・モチーフ検索結果 ・各種プロット ・品質チェックデータ 報告書・手引き Fastqファイル
Illumina (150bp ペアエンド)			95,000円/サンプル (税込104,500円)	

● お送りいただく検体：ChIP済みDNA

DNA量：10 ng以上、DNA断片長：100 bp-500 bp(推奨 200-300 bp)、A260/A280：1.8以上、A260/A230：1.8以上

1. ネガティブコントロールとしてChIP前のサンプル(インプット)を追加していただくことを強くお勧めいたします。インプットについても1サンプルの扱いとなります。  
2. 多数サンプルがある場合、条件検討のためにまずは少数サンプルでご依頼いただくことをお勧めいたします。

## 新オプション・ChIP操作受託スタート

NEW!

- ChIP操作から受託を開始しました。
- クロスリンク済みの細胞と、抗体をお送りいただき、ChIP操作、ライブラリー作製、インフォマティクス解析を弊社で実施いたします。
- 最小構成は3サンプル(税込385,000円)。ChIPサンプルと、ネガティブコントロール(Input)、ポジティブコントロール（ヒストン抗体）となります。詳しくはお問い合わせください。

## ■ サンプルを送るだけ！解析もしっかりフォロー！

1. サンプル提出

2. 品質チェック  
ライブラリー作製

3. シーケンシング

4. インフォマティクス解析

5. 解析データ・レポート・  
手引き納品

- 本チラスの次世代シーケンサー受託サービスは、全て解析込みのサービスです。
- ライブラリー作製、シーケンシング、インフォマティクス解析までを行い、データと解析レポートを納品します。
- 次世代シーケンサーを用いた解析がはじめての方に、特にお勧めいたします。

お問い合わせ：contact@dnaform.jp

各種解析のパンフレットはこちら



## 株式会社ダナフォーム

〒230-0051 神奈川県横浜市鶴見区鶴見中央 2-6-29  
アスク・サンシビル 3F  
TEL: 045-508-1539 FAX: 045-510-0608  
E-mail: contact@dnaform.jp URL: http://dnaform.jp/ja/